

Lp.	Nazwa badania	Metoda	Cena	Czas realizacji	Rodzaj materiału
<b>Diagnostyka wirusowego zapalenia wątroby</b>					
POJEDYNCZE BADANIA					
303	Wirus HBV ( WZW typu B )	jakościowo Real Time PCR	351	10	surowica
304	Wirus HBV ( WZW typu B )	jakościowo + ilościowo Real Time PCR	480	10	surowica
306	Wirus HCV ( WZW typu C )	jakościowo Real Time PCR	350	10	surowica
307	Wirus HCV ( WZW typu C )	jakościowo + ilościowo Real Time PCR	480	10	surowica
PANELE BADAŃ					
705	Wirus HBV + wirus HCV	jakościowo Real Time PCR	610	10	surowica
<b>Diagnostyka infekcji ogólnoustrojowych</b>					
POJEDYNCZE BADANIA					
332	CMV ( wirus cytomegalii )	jakościowo Real Time PCR	240	10	surowica, osocze
333	CMV ( wirus cytomegalii )	jakościowo + ilościowo Real Time PCR	455	10	surowica, osocze
341	EBV ( wirus EpsteinBarr )	jakościowo Real Time PCR	240	10	surowica
342	EBV ( wirus EpsteinBarr )	jakościowo + ilościowo Real Time PCR	455	10	surowica
PANELE BADAŃ					
721	PANEL INFЕКCJI GRZYBICZYCH – identyfikacja 6 gatunków grzybów : Candida albicans, Candida tropicalis, Candida parapsilosis, Candida glabrata, Candida krusei, Aspergillus fumigatus	jakościowo Real Time PCR	720	14	Krew EDTA

**Diagnostyka infekcji dróg moczowo-płciowych**

## POJEDYNCZE BADANIA

602	<i>Trichomonas vaginalis</i> ( rzęsistek pochwowy )	jakościowo PCR	247	7	mocz
110	<i>Mycoplasma hominis</i> ( mykoplazma )	jakościowo PCR	247	7	
111	<i>Mycoplasma genitalium</i> ( mykoplazma )	jakościowo PCR	247	7	
112	<i>Ureaplasma urealyticum</i> ( ureaplazma )	jakościowo PCR	247	7	
113	<i>Chlamydia trachomatis</i>	jakościowo PCR	247	7	nasienie , mocz
114	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ( rzeżączka )	jakościowo PCR	247	7	mocz

## PANELE BADAŃ

709	PANEL URO- GENITAL 6 – panel identyfikacji 6 patogenów ( test 6 w 1 ) : <i>Trichomonas vaginalis</i> , <i>Mycoplasma hominis</i> , <i>Ureaplasma urealyticum</i> , <i>Chlamydia trachomatis</i> , <i>Mycoplasma genitalium</i> , <i>Neisseria gonorrhoeae</i>	jakościowo multiplex PCR	442	7	mocz
-----	--	--------------------------	-----	---	------

<b>Diagnostyka infekcji dróg oddechowych</b>					
POJEDYNCZE BADANIA					
104	<i>Legionella pneumophila</i> ( legionelloza )	jakościowo PCR	250	7	plwocina, wydzielina nosowa
106	<i>Streptococcus pneumoniae</i>	jakościowo PCR	250	7	
108	<i>Mycoplasma pneumoniae</i>	jakościowo PCR	250	7	
120	<i>Haemophilus influenzae</i>	jakościowo PCR	250	7	
105	<i>Chlamydomphila pneumoniae</i>	jakościowo PCR	250	7	
124	<i>Bordetella pertussis</i>	jakościowo PCR	250	7	
PANELE BADAŃ					
712	<b>Panel PNEUMO-BACTER 6</b> – identyfikacja 6 bakterii : <i>Streptococcus pneumoniae</i> , <i>Haemophilus influenzae</i> , <i>Mycoplasma pneumoniae</i> , <i>Chlamydomphila pneumoniae</i> , <i>Legionella pneumophila</i> , <i>Bordetella pertussis</i>	jakościowo multiplex PCR	390	7	plwocina, wydzielina nosowa
713	<b>Panel PNEUMO-VIRUS 12</b> – identyfikacja 12 wirusów : AdV, MPV, 229E/NL63 Coronavirus, PIV1,PIV2, PIV3, FluA, FluB, RSVB, RSVA, Rhino A/B, OC43/HKU1 Coronavirus	jakościowo multiplex PCR	520	7	wydzielina nosowa
714	<b>Panel PNEUMO-TOTAL 18</b> – identyfikacja 12 wirusów i 6 bakterii : ADV, MPV, wirus grypy A, wirus grypy B, RSVA, RSVB, Rhinovirus A/B, Coronavirus OC43, Coronavirus 229E/NL63, wirus paragrypy 1, paragrypa 2, paragrypa 3, <i>Mycoplasma pneumoniae</i> , <i>Haemophilus influenzae</i> , <i>Streptococcus pneumoniae</i> , <i>Chlamydomphila pneumoniae</i> , <i>Legionella pneumophila</i> , <i>Bordetella pertussis</i>	jakościowo multiplex PCR	720	7	wydzielina nosowa

<b>Diagnostyka chorób i predyspozycji genetycznych</b>					
POJEDYNCZE BADANIA					
901	<b>Mukowiscydoza</b> - analiza 9 mutacji genu <b>CFTR</b>	PCR/ sekwencjonowanie	300	10	krew EDTA, wymaz z policzka
902	Genetyczne predyspozycje do <b>raka piersi i jajnika</b> – analiza 5 mutacji genu <b>BRCA1</b> najczęstszych w populacji polskiej	PCR/ sekwencjonowanie	300	10	
915	Genetyczne predyspozycje do <b>raka piersi i jajnika</b> – analiza mutacji genu <b>BRCA2</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
916	Genetyczne predyspozycje do <b>raka piersi i prostaty</b> – analiza mutacji genu <b>NBS1 (NBN)</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
917	Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów : <b>piersi, jajnika, jelita grubego, płuca</b> – analiza mutacji genu <b>NOD2</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
918	Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów : <b>piersi, jelita grubego, prostaty, tarczycy, nerki</b> – analiza mutacji genu <b>CHEK2</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
919	Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów: <b>skóry ( czerniak ), trzustki, piersi, jelita grubego, płuc</b> – analiza mutacji genu <b>CDKN2A ( p16 )</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
920	Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów : <b>piersi, jelita grubego, pęcherza moczowego, płuca, krtani</b> – analiza mutacji genu <b>CYP1B1</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
903	<b>Genetyczne predyspozycje do choroby Alzheimera i miażdżycy</b> – genotypowanie <b>ApoE</b>	PCR	300	10	
905	<b>Cukrzyca wrodzona</b> – analiza mutacji genu <b>KCNJ11</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
908	<b>Choroba zakrzepowo-zatorowa</b> – mutacja <b>Leiden czynnika V genu F5 ( R506Q )</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
909	Genetyczna predyspozycja do <b>rdzeniastego raka tarczycy</b> – analiza 16 mutacji genu <b>RET</b>	PCR/ sekwencjonowanie	650	10	
911	<b>Choroba zakrzepowo-zatorowa</b> – mutacja genu <b>protrombiny F2 ( G20210A )</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	
912	<b>Wady cewy nerwowej i choroba zakrzepowo-zatorowa</b> – analiza	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	

	polimorfizmu genu <b>MTHFR</b> ( C677T oraz A1289C )				
913	Diagnostyka <b>policytemii, trombocytemii i mielofibrozy</b> – analiza mutacji somatycznej p. V617F ( G1849T ) genu <b>JAK2</b>	PCR/ sekwencjonowanie	250	10	krew EDTA
923	Genetyczna predyspozycja do <b>pierwotnej nietolerancji laktozy ( typu dorosłego )</b> – badanie polimorfizmu 13910 genu <b>LCT</b> ( laktaza )	PCR/ sekwencjonowanie	360	10	krew EDTA, wymaz z policzka
924	Genotypowanie <b>interleukiny 28B</b> w leczeniu wirusowego zapalenia wątroby typu C ( rs 12979860 oraz rs8099917 )	PCR/ sekwencjonowanie	600	10	
925	Genotypowanie <b>interleukiny 28B</b> w leczeniu wirusowego zapalenia wątroby typu C ( polimorfizm rs 12979860 )	PCR/ sekwencjonowanie	350	10	
926	Genotypowanie <b>interleukiny 28B</b> w leczeniu wirusowego zapalenia wątroby typu C ( polimorfizm rs8099917 )	PCR/ sekwencjonowanie	350	10	
928	<b>Celiakia</b> – identyfikacja <b>haplotypów HLA-DQ2 i HLA-DQ8</b>	PCR/ sekwencjonowanie	500	14	
<b>PANELE BADAŃ</b>					
981	<b>Panel predyspozycji do genetycznie uwarunkowanych chorób zakrzepowozatorowych</b> : mutacja genu <b>protrombiny F2( G20210A )</b> , czynnika <b>V Leiden F5 ( R506Q )</b> , polimorfizmu genu <b>MTHFR ( C677T oraz A1289C )</b>	PCR/ sekwencjonowanie	520	14	krew EDTA, wymaz z policzka
914	<b>Panel predyspozycji genetycznych do raka piersi i jajnika</b> - analiza 15 mutacji w 7 genach ( <b>BRCA1, BRCA2, NBS1, NOD2, CHEK2, CDKN2A, CYP1B1</b> )	PCR/ sekwencjonowanie	900	14	
921	<b>Panel predyspozycji genetycznych w kierunku dziedzicznego raka jelita grubego niezwiązanego z polipowatością</b> ( zespół Lyncha, HNPCC ) analiza 169 mutacji w 5 genach ( <b>MLH1, MSH2, MSH6, NOD2, CHEK2</b> )	mikromacierze DNA/ sekwencjonowanie	1 980	21	
922	<b>Panel predyspozycji genetycznych w kierunku raka prostaty</b> (gruczołu krokowego) – analiza 17 mutacji w 6 genach ( <b>RNASEL, ELAC2, MSR1, NBS1, BRCA1, CHEK2</b> )	mikromacierze DNA/ sekwencjonowanie	1 800	21	

<b>Diagnostyka predyspozycji genetycznych do nowotworów- sekwencjonowanie następnej generacji ( NGS )</b>					
801	<b>Panel nowotworowy DLA NIEJ</b> - panel predyspozycji genetycznych do nowotworów: <b>piersi, jajnika, jelita grubego, płuc</b> – analiza 70 genów	NGS	3 190	30	krew EDTA, wymaz z policzka
802	<b>Panel nowotworowy DLA NIEGO</b> – panel predyspozycji genetycznych do nowotworów : <b>prostaty, jąder, jelita grubego, płuc</b> – analiza 97 genów	NGS	3 190	30	
803	<b>Panel nowotworowy 170 PLUS</b> – panel predyspozycji genetycznych do nowotworów : <b>prostaty, piersi, jelita grubego, układu krwiotwórczego, nerek, płuc, skóry, przelyku, jamy nosowo-gardłowej, trzustki, pęcherza moczowego, tarczycy, centralnego układu nerwowego, jajnika, jądra, żołądka, kości, gammopatie monoklonalne, rak wątrobowokomórkowy, chłoniak grudkowy, toczeń rumieniowaty</b> – analiza 170 genów	NGS	3 850	30	
804	<b>Rak gruczołu krokowego ( prostaty )</b> – analiza 54 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 970	30	
805	<b>Rak piersi</b> – analiza 28 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 860	30	
806	<b>Rak jelita grubego</b> - analiza 24 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 860	30	
807	<b>Nowotwory układu krwiotwórczego</b> – analiza 24 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 860	30	
808	<b>Nowotwory nerki</b> – analiza 16 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 860	30	
809	<b>Rak płuc</b> - analiza 13 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 750	30	
810	<b>Nowotwory skóry</b> - analiza 10 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 750	30	
811	<b>Nowotwory przelyku</b> - analiza 10 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 750	30	
812	<b>Rak jamy nosowo-gardłowej</b> - analiza 9 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 640	30	
813	<b>Rak trzustki</b> - analiza 8 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 640	30	
814	<b>Rak pęcherza moczowego</b> - analiza 8 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 640	30	
815	<b>Rak tarczycy</b> - analiza 7genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 640	30	
816	<b>Nowotwór zarodkowy jądra</b> – analiza 6 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 640	30	
817	<b>Rak żołądka</b> - analiza 5 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 530	30	
818	<b>Rak jajnika</b> - analiza 5 genów odpowiedzialnych	NGS	2 530	30	

	za rozwój nowotworu				
819	<b>Nowotwór kości</b> – analiza 3 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu	NGS	2 530	30	
<b>Diagnostyka infekcji metodami serologicznymi</b>					
IM/001	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza )	ELISA IgM	80	7	osocze
IM/002	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza )	ELISA IgG	80	7	
IM/003	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza )	ELISA IgM i IgG	160	7	
IM/001K	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza ) identyfikacja i rozbitcie kompleksów immunologicznych	ELISA IgM	160	7	
IM/002K	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza ) identyfikacja i rozbitcie kompleksów immunologicznych	ELISA IgG	160	7	
IM/004K	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza ) rozbitcie krążących kompleksów immunologicznych ( KKI ), Western blot klasy IgG	Western blot IgG	260	7	osocze, surowica
IM/005K	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza ) rozbitcie krążących kompleksów immunologicznych ( KKI ), Western blot klasy IgM	Western blot IgM	260	7	
IM/006K	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza ) rozbitcie krążących kompleksów immunologicznych ( KKI ), Western blot klasy IgG + IgM	Western blot IgG + IgM	455	7	
IM/004	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza )	Western blot IgG	156	7	osocze
IM/005	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza )	Western blot IgM	156	7	
IM/006	<i>Borrelia burgdorferi</i> ( borelioza )	Western blot IgG + IgM	290	7	
IM/007	<i>Babesia microti</i> ( babeszjoza )	IFA IgM	170	7	
IM/008	<i>Babesia microti</i> ( babeszjoza )	IFA IgG	170	7	
IM/009	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> , <i>Ehrlichia chaffeensis</i> ( ludzka anaplazmoza granulocytarna, ludzka erlichioza monocytarna )	IFA IgM	135	7	
IM/010	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> , <i>Ehrlichia chaffeensis</i> ( ludzka anaplazmoza granulocytarna, ludzka erlichioza monocytarna )	IFA IgG	135	7	
IM/011	<i>Bartonella henselae</i> , <i>Bartonella quintana</i> ( bartonelloza )	IFA IgM	135	7	
IM/012	<i>Bartonella henselae</i> , <i>Bartonella quintana</i> ( bartonelloza )	IFA IgG	135	7	
IM/013	<i>Toxoplasma gondi</i>	ELISA IgM	135	7	
IM/014	<i>Toxoplasma gondi</i>	ELISA IgG	135	7	
IM/015	<i>Mycoplasma pneumoniae</i>	IFA IgM	135	7	
IM/016	<i>Mycoplasma pneumoniae</i>	IFA IgG	135	7	
IM/019	<i>Chlamydia pneumoniae</i>	IFA IgM	135	7	
IM/020	<i>Chlamydia pneumoniae</i>	IFA IgG	135	7	
IM/021	<i>Yersinia enterocolitica</i> ( jersinioza )	ELISA IgA	120	7	
IM/022	<i>Yersinia enterocolitica</i> ( jersinioza )	ELISA IgG	130	7	
IM/023	<i>Chlamydia trachomatis</i>	IFA IgM	100	7	

IM/024	Chlamydia trachomatis	IFA IgG	100	7	
<b>PANELE BADAŃ</b>					
<b>Panel odkleszczowy - przesiewowy</b>					
IM/050	Borrelia burgdorferi IgM/IgG, Babesia microti IgM, Anaplasma phagocytophilum, Ehrlichia chaffeensis IgM, Bartonella henselae, Bartonella quintana IgM, Toxoplasma gondi IgM	ELISA IgM/ IgG, IFA IgM	455	12	osocze
<b>Panel odkleszczowy - pelny</b>					
IM/051	Borrelia burgdorferi IgM/IgG, Babesia microti IgM/IgG, Anaplasma phagocytophilum, Ehrlichia chaffeensis IgM/IgG, Bartonella henselae, Bartonella quintana IgM/IgG, Toxoplasma gondi IgM/IgG	ELISA IgM/ IgG, IFA IgM/IgG	754	12	osocze
<b>Panel koinfekcji</b>					
IM/052	Babesia microti IgG, Anaplasma phagocytophilum, Ehrlichia chaffeensis IgG, Bartonella henselae, Bartonella quintana IgG	IFA IgG	325	12	osocze
<b>Panel infekcji związany z LD</b>					
IM/053	Mycoplasma pneumoniae IgM/IgG, Chlamydia pneumoniae IgM/IgG, Yersinia enterocolitica IgA/IgG	IFA IgM/IgG, ELISA IgA/IgG	338	12	osocze



## CENNIK BADAŃ DNA

### BADANIA W KIERUNKU IDENTYFIKACJI OSOBNICZEJ

Nr.	Badanie	Opis	Cena	Realizacja	Rodzaj materiału
O.1	TEST DNA STANDARD	Badanie pokrewieństwa, 3 osoby ( <b>dziecko + domniemany ojciec + biologiczna matka dziecka</b> ), dotyczy tylko zleceń do celów prywatnych, badanie <b>16 markerów</b>	1 020	10**	wymaz z policzka krew EDTA, mikroślady ( za dodatkową opłatą )  ślady krwi, włosy cebulkami, nasienie, ślina, niedopałki papierosów, szczoteczka do zębów, biała guma do żucia
O.2	TEST DNA STANDARD PLUS	Badanie pokrewieństwa, 2 osoby ( <b>dziecko + domniemany ojciec</b> ), dotyczy tylko zleceń do celów prywatnych, badanie <b>21 markerów</b>	900	10**	
O.3	PROFIL GENETYCZNY STANDARD DLA 1 OSOBY	Ustalenie profilu genetycznego 1 osoby, badanie <b>21 markerów</b>	620	7	
O.4	PROFIL GENETYCZNY STANDARD DLA 1 OSOBY + PORÓWNANIE Z WCZEŚNIEJSZYMI WYNIKAMI BADAŃ	Ustalenie profilu genetycznego ( <b>21 markerów</b> ) dla 1 osoby oraz porównanie go z już posiadanymi wynikami	650	7	
O.5	TEST DNA EXPRESS	Badanie pokrewieństwa, 3 osoby ( <b>dziecko + domniemany ojciec + biologiczna matka dziecka</b> ), dotyczy tylko zleceń do celów prywatnych, badanie <b>16 markerów</b>	1 620	5**	
O.6	TEST DNA EXPRESS PLUS	Badanie pokrewieństwa, 2 osoby ( <b>dziecko + domniemany ojciec</b> ), dotyczy tylko zleceń do celów prywatnych, badanie <b>21 markerów</b>	1 440	5**	
O.10	BADANIE MIKROŚLADÓW	usługa dodatkowa w przypadku testu : STANDARD, STANDARD PLUS, EXPRESS I EXPRESS PLUS, gdy nie ma możliwości pobrania wymazu : krew, włosy z cebulkami, nasienie, ślina, niedopałki papierosów, szczoteczka do zębów ( cena za 1 próbkę )	455 do ceny testu	-	
O.11	DODATKOWA OSOBA	Powyżej 3 osób, cena za jedną osobę, 16 markerów, do testu DNA STANDARD, DNA EXPRESS	455 do ceny testu	-	
O.12	DODATKOWA OSOBA PLUS	Powyżej 2 osób, cena za 1 osobę, 21 markerów, do testu DNA STANDARD PLUS, DNA EXPRESS PLUS	520 do ceny testu	-	
O.13	ROZSZERZENIE BADAŃ O DODATKOWE 17 ALLELI CHROMOSOMU Y	Rozszerzenie dotyczy testów STANDARD, EXPRESS ( 2-3 osoby płci męskiej )	780	-	

\*) w przypadku gdy zlecane jest badanie w 48 godzin – czas realizacji dotyczy dni roboczych; nie dotyczy badania z wykorzystaniem mikrośladów

\*\*\*) w przypadku, gdy materiał do badań stanowią mikroślady, termin realizacji dla testu STANDARD wynosi 14 dni roboczych, a dla testu EXPRESS 7 dni roboczych